



# Peso y proporción de pechuga en dos híbridos de tres vías de Pollo Campero con genes Cornish: análisis longitudinal y alométrico

<sup>1</sup>Advínculo, S.A.; <sup>1</sup>Librera, J.E.; <sup>1</sup>Varela, D.; <sup>1,3</sup>Dottavio, A.M.;  
<sup>2,3</sup>Font, M.T.; <sup>1,2,3</sup>Di Masso, R.J.

<sup>1</sup>Cátedra de Genética, Facultad de Ciencias Veterinarias. <sup>2</sup>Instituto de Genética Experimental, Facultad de Ciencias Médicas. <sup>3</sup>CIC-UNR

## 1. INTRODUCCIÓN

En las aves de carne, la contribución relativa a la faena de ciertos cortes valiosos, además de por su valor carnívorico intrínseco, ha cobrado particular interés debido al aumento en la comercialización de productos procesados. En el caso particular de la pechuga los estudios interracialistas han puesto en evidencia un mayor rendimiento a la faena de las aves de raza Cornish y sus cruzamientos. La selección por ganancia de peso corporal, habitual en las poblaciones progenitoras de los pollos parrilleros, produce como respuesta correlacionada un aumento en la proporción de carne de pechuga, la que a su vez aumenta progresivamente con la edad del ave. El pollo campero pese a ser un ave de crecimiento más lento que los parrilleros comerciales presenta, un buen desarrollo del músculo de la pechuga.

## 2. OBJETIVO

Estudiar el comportamiento dinámico de la pechuga en dos híbridos experimentales de tres vías de pollo campero con genes Cornish Blanco en comparación con el híbrido Campero INTA.

## 3. MATERIALES Y MÉTODOS

Se estudiaron machos de los siguientes grupos genéticos:

- Híbrido Casilda Doña Teresa: machos Rhode Island Red x hembras CP (Cornish Blanco x Plymouth Rock Barrada)
- Híbrido Casilda Don Manuel: machos Plymouth Rock Barrado x hembras CR (Cornish Blanco x Rhode Island Red)
- Población testigo: pollos híbridos contemporáneos Campero INTA producto del cruzamiento de gallos de la estirpe AS x gallinas de la estirpe E.

Seis aves de cada grupo genético se faenaron, a intervalos semanales entre los 7 y los 84 días de edad. Se determinó el peso corporal y el peso de la pechuga. La modificación del peso y de la proporción de este corte se estudió en función de la edad cronológica (análisis dinámico) a partir de los ajustes con las funciones de Gompertz y lineal, respectivamente. El análisis alométrico incluyó el ajuste lineal del ln del peso de la pechuga en función del ln del peso corporal pre-faena y del ln del peso corporal eviscerado. Las diferencias entre grupos genéticos en las pendientes y/o las alturas de las respectivas rectas de regresión se compararon con un análisis de la covarianza.

## 4. RESULTADOS

	Casilda DT	Casilda DM	Campero INTA
Ajuste Peso de la pechuga (g) - Edad cronológica (semanas)			
Peso	756.3 a	610.6 a	724.4 a
Asintótico (A)	± 78.28	± 70.31	± 75.68
Tasa de maduración (k)	0.1722 a	0.2203 b	0.2574 b
	± 0.01734	± 0.01925	± 0.03515
Ajuste Proporción de pechuga (%) - Edad cronológica (semanas)			
Pendiente (b)	0.4646 a	0.4812 a	0.5329 a
	± 0.02867	± 0.04893	± 0.02707
Ordenada (a)	13.52 a	13.47 a	13.55 a
	± 0.228	± 0.388	± 0.184
Pendiente común: 0.4868 Ordenada común: 13.52			
Ajuste alométrico Peso de pechuga (g) - Peso corporal pre faena (g)			
Pendiente	1.102 a	1.119 a	1.107 a
	± 0.0124	± 0.0165	± 0.0273
Ajuste alométrico Peso de pechuga (g) - Peso corporal eviscerado (g)			
Pendiente	1.009 a	1.042 a	1.028 a
	± 0.0199	± 0.0185	± 0.0237



Los modelos propuestos resultaron adecuados para los tres ajustes. No se observaron diferencias estadísticamente significativas entre los grupos experimentales y el genotipo de referencia a excepción de la tasa de maduración para peso de la pechuga que fue menor en Casilda DT, hecho compensado por su tendencia a presentar un mayor valor asintótico para el carácter. En los tres grupos la pechuga creció a un ritmo mayor que el peso corporal total ( $b > 1$ ) pero a un ritmo similar al peso eviscerado ( $b = 1$ ).

## 5. CONCLUSIONES

Los híbridos de tres vías propuestos como alternativa presentan un patrón de crecimiento de la pechuga similar a Campero INTA en consonancia con los resultados derivados del análisis transversal y al igual que lo observado en los híbridos simples utilizados como genotipos maternos de los mismos.